

## [他誌掲載論文の抄録]

## 伴侶動物及び畜産動物由来腸内細菌科細菌における 16S-RMTase 遺伝子の保有状況

梶野朱里<sup>1</sup>、臼井 優<sup>1</sup>、小池良治<sup>3</sup>、川西路子<sup>3</sup>、原田和記<sup>2</sup>、田村 豊<sup>1</sup>

16S-RMTase は、複数種類のアミノグリコシド (AG) 系抗菌薬に対し高度に耐性を示す酵素であり、特に近年、医療現場において問題視されている。そこで今回、動物由来細菌における耐性菌の動向と 16S-RMTase の分布について明らかにするため、伴侶動物及び家畜に由来する腸内細菌科細菌の16S-RMTase 遺伝子の保有状況を調査した。

2005年と2015年から2016年に分離した犬直腸便由来大腸菌446株、2004年~2015年に分離された犬及び猫に由来する腸内細菌科細菌244株について16S-RMTaseの検出を行った。また、2003~2004年と2012~2013年にJVARMで収集された家畜(牛、豚、鶏)由来大腸菌2445株のうちゲンタマイシンに耐性を示した27株について16S-RMTaseの検出を行った。

その結果 Escherichia coli の 2 株 (0.5%) から 16S-RMTase である rmtB と armA が分離され、 Klebsiella pneumoniae 1 株 (1.0%) から armA が検出されたが、家畜由来大腸菌からは検出されなかった。このことから、伴侶動物において 16S-RMTase は低率ながら存在しているが拡散や増加はしておらず、家畜においては分布していないか極めて低いことが示唆された。

- 1 酪農学園大学 獣医 食品衛生
- 2 鳥取大学 共同獣医 臨床獣医
- 3 農林水産省 動物医薬品検査所

ウイルス学的及び血清学的手法に基づく日本における 2012 年から 2017 年までの HoBi-like ウイルスの浸潤状況

(Prevalence of HoBi-like viruses in Japan between 2012 and 2017 based on virological methods and serology)

小佐々隆志 $^{1}$ 、鳥居志保 $^{2}$ 、亀山健一郎 $^{3}$ 、長井誠 $^{4}$ 、磯田典和 $^{2}$ 、塩川舞 $^{5}$ 、青木博史 $^{5}$ 、岡松正敏 $^{2}$ 、関口秀人 $^{1}$ 、齋藤明人 $^{1}$ 、迫田義博 $^{2}$ 

本研究の目的は、日本における HoBi-like ウイルスの浸潤状況を調査し、日本で入手可能な牛ウイルス性下痢ウイルス(BVDV)ワクチンによって誘導される免疫反応を評価することであった。2012年から 2017年にかけて国内で収集した牛血清を用いて RT-PCR およびウイルス分離を実施したところ、HoBi-like ウイルスは検出されなかった。それにもかかわらず、HoBi-like ウイルスに対する中和抗体価は <2 から 4,096 倍を示し、自然感染、ワクチン接種を問わず、BVDV-1 および BVDV-2 による交差中和反応であることが示された。これらの成績は、BVDV-1 および BVDV-2 の両方を含むワクチン接種が日本における HoBi-like ウイルスの制御に貢献することを示唆するものである。

(Japanese Journal of Veterinary Research 66 (4): 317-324, 2018)

- 1 農林水産省・動物医薬品検査所
- 2 北海道大学
- 3 農業·食品産業技術総合研究機構 動物衛生研究部門
- 4 石川県立大学
- 5 日本獣医生命科学大学