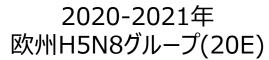
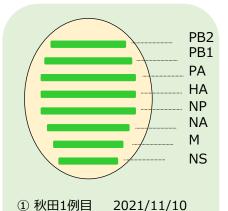
H5N8亜型

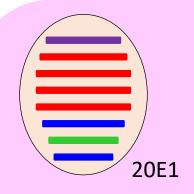
H5N1亜型

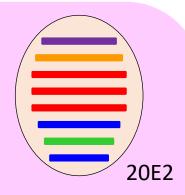
2020-2021年 アジアH5N8グループ(20A)

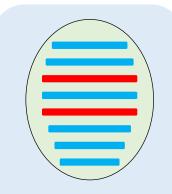


2021-2022年 欧州H5N1グループ(21E)









③ 鹿児島2例目 2021/11/15

② 鹿児島1例目 2021/11/13

4 兵庫 2021/11/17 ⑤ 熊本 2021/12/3 ⑥ 千葉1例目 2021/12/5

⑦ 埼玉 2021/12/7 ⑧ 広島

⑨ 青森1例目 2021/12/12

⑬ 鹿児島3例目 2022/1/13

⑤ 千葉3例目 2022/1/26

② 北海道4例目 2022/5/14

⑩ 愛媛1例目 2021/12/31 2021/12/7 ⑪ 愛媛2例目 2022/1/4

迎 愛媛3例目 2022/1/4

⑭ 千葉2例目 2022/1/19

⑯ 岩手1例目 2022/2/11 ⑰ 宮城 2022/3/24 ⑱ 青森2例目 2022/4/7 ⑨ 青森3例目 2022/4/14

② 北海道1例目 2022/4/15

② 北海道2例目 2022/4/16

② 秋田2例目 2022/4/18

② 北海道3例目 2022/4/25 24 岩手2例目 2022/5/11

2020年代HPAI由来 2021年代HPAI由来 野鳥AIV由来 野鳥AIV /2021年代HPAI由来

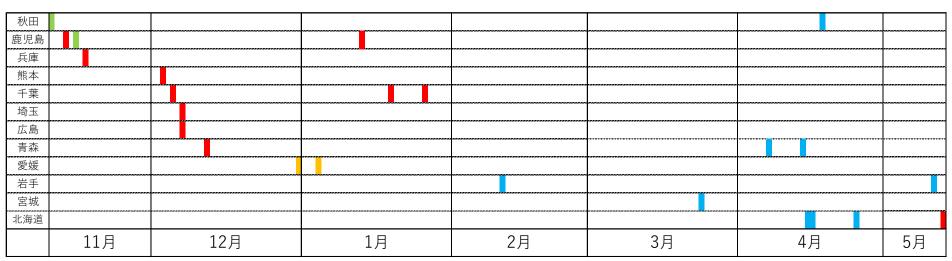
R3疫学調査報告書より

2020年シーズン8分節の遺伝子系統樹解析に基づく国内H5N8亜型高病原性鳥インフルエンザウイルスの遺伝的多様性 欧州19-20冬グループ 韓国の家禽で分離 国内の家禽で分離 欧州秋・冬グループ (E2) 千葉3-11例目(2021/1/21-2/15) 宮崎10-11例目(2021/1/31-2/7) PB2 PB1 徳島2例目(2021/2/9) 香川1-10例目(2020/11/5-12/2) PA HA NP NA 兵庫1例目(2020/11/25) 茨城ハクチョウ(2021/02/11) **F1** 新潟ハクチョウ (2020/11/16) 栃木オオハクチョウ (2021/2/14) 埼玉フクロウ(2020/12/23) PB2 PB1 NS PA HA NP NA 福岡1例目(2020/11/25) 宮崎1-9例目(2020/12/1-12/30) 奈良1例目 (2020/12/6) PB2 PB1 広島1例目(2020/12/7) 大分1例目(2020/12/10) PA **E4** HA NP NA 岡山1例目(2020/12/11) E3 滋賀1例目(2020/12/13) 香川11-13例目(2020/12/14-12/23) 高知1例目(2020/12/16) 鹿児島1例目(2021/1/13) : 欧州19-20冬HPAIV NS 富山1例目(2021/1/23) 栃木1例目(2021/3/13) 富山ノスリ (2021/2/24) :欧州秋・冬HAPIV 徳島1例目(2020/12/19) 千葉1-2例目(2020/12/24,2021/1/11) PB2 PB1 岐阜1例目(2021/1/2) PA 茨城1例目(2021/2/2) HA NP NA 新潟マガモ (2021/2/8) **E7 E6** 新潟オオハクチョウ(2021/2/13) 栃木ハヤブサ(2021/2/15) 野鳥AIV由来 栃木フクロウ (2021/2/16) NS 栃木ノスリ(2021/3/3) PB2 PB1 PA 宮崎12例目(2021/2/25) HA NP NA **E**5 富山ノスリ(2021/2/10) Y-G. Baekらによる分類、Viruses 2021, M 13, 490. https://doi.org/10.3390/v13030490

R2疫学調査報告書より



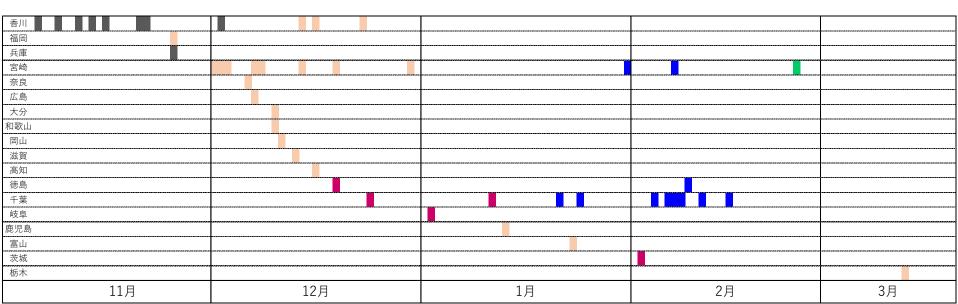
都道府県ごと発生報告日と遺伝子型 2021年11月 - 2022年5月



20A 20E1 20E2 21E



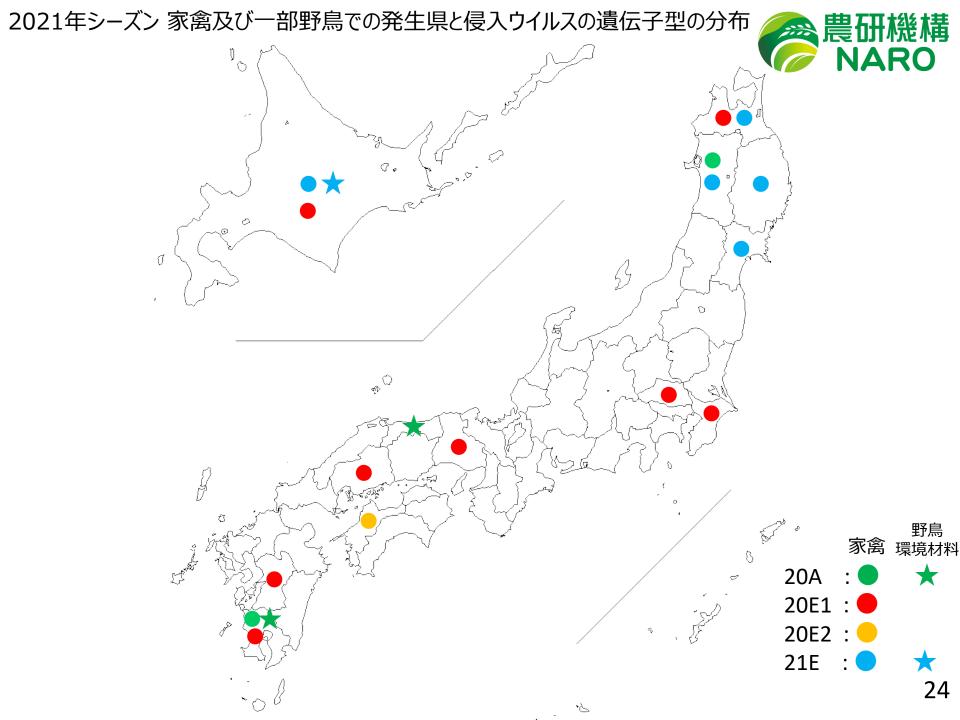
都道府県ごと発生報告日と遺伝子型2020年11月-2021年3月

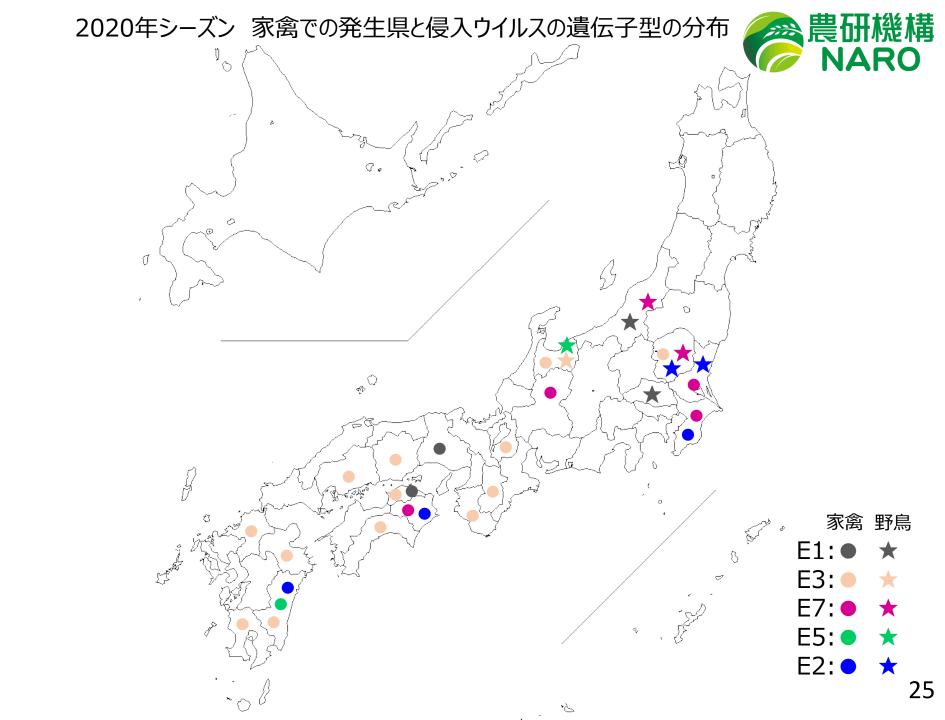


E1 E3 E7 E5 E2

香川県:11月20日、12月2日には同遺伝子型発生が2件

宮崎県:12月14日には同遺伝子型発生が2件 千葉県:2月11日には同遺伝子型発生が2件







20Aグループ ウイルスの推定移動経路

